

Src homology 2 domains of protein tyrosine phosphatase are associated in vitro with both the insulin receptor and insulin receptor substrate-1 via different phosphotyrosine motifs

著者	卯木 智
発行年	1996-03-22
その他の言語のタイトル	チロシン脱リン酸化酵素のsrcホモロジー2領域はインスリン受容体及びインスリン受容体基質1と異なるチロシンリン酸化モチーフを介して結合する チロシン ダツリンサンカ コウソ ノ src ホモロジー 2 リョウイキ ハ インスリン ジュヨウタイ オヨビ インスリン ジュヨウタイ キシツ 1 ト コトナル チロシン リンサンカ モチーフ ヲ カイシテ ケツゴウスル
URL	http://hdl.handle.net/10422/2320

氏名・（本籍）	卯 木 智（島根県）
学 位 の 種 類	博士（医学）
学 位 記 番 号	博士第212号
学位授与の要件	学位規則第4条第1項該当
学位授与年月日	平成8年3月22日
学 位 論 文 題 目	Src homology 2 domains of protein tyrosine phosphatase are associated in vitro with both the insulin receptor and insulin receptor substrate-1 via different phosphotyrosine motifs (チロシン脱リン酸化酵素のsrcホモロジー2領域はインスリン受容体及びインスリン受容体基質1と異なるチロシンリン酸化モチーフを介して結合する)
審査委員	
主査 教授	大久保 岩 男
副査 教授	堀 池 喜八郎
副査 教授	吉 川 隆 一

論 文 内 容 の 要 旨

〔目 的〕

Src homology 2 (SH2) 領域は src 遺伝子ファミリーでよく保存されている約100個のアミノ酸からなる領域で、特定のホスホチロシン残基のモチーフを認識して結合することが知られている。インスリンはその受容体に結合すると受容体チロシンキナーゼが活性化し、内因性基質である IRS-1 のチロシン残基をリン酸化する。この IRS-1 のチロシンリン酸化モチーフにSH2領域を介して結合し、インスリンシグナル伝達に関する分子の存在が示唆されている。SHPTP2 はチロシンキナーゼの逆反応を解媒するホスファターゼ (PTPase) であるが、そのN端に二つの SH2 領域を有し、EGFやPDGFシグナル伝達に関与していることが知られている。そこで、SHPTP2 のインスリンシグナルにおける役割を明かにするため、インスリン受容体及び IRS-1 と SHPTP2 の相互作用について検討した。

〔方 法〕

(1) SHPTP2 の SH2 領域及び IRS-1 蛋白の作製：AGPC 法により IM9 細胞より mRNA を抽出し、RT-PCR 法で SHPTP2 cDNA の SH2 領域を増幅し塩基配列を決定後、発現ベクター (pGEX) ヘサブクローニングした。この発現ベクターを大腸菌へ transform 後、Isopropyl-β-D-thiogalactopyranoside 存在下に37℃、7時間振盪培養し、Glutathione-S-transferase (GST) との融合蛋白を作製した。大腸菌を可溶化し、アフィニティーカラムを用いてGST蛋白を作製した。また、Factor-Xa によりGSTを切断し、SH2 領域のみの蛋白を精製した。同様に、ラット肝より Genomic DNA を抽出し、PCR法によりN端側とC末端側の二箇所の IRS-1 の断片蛋白を含むGST融合蛋白 (GST-IRS-1-N、GST-IRS-1-C) を上記の方法で合成した。

(2) 正常及び変異インスリン受容体の精製：正常インスリン受容体はヒトインスリン受容体を過剰発現しているラット1線維芽細胞 (HIRc) よりWGAカラムを用いて部分精製した。また、SHPTP2 の結合部位と推定されるインスリン受容体のC末端 Y¹³²²XXM モチーフのチロシンをフェニールアラニンに置換した変異受容体 (Y/F2) cDNA を発現ベクター CVSV に取り込み、COS7細胞へ transfection し WGA カラムを用いて精製した。

(3) GST-SH2 蛋白のインスリン受容体キナーゼによるリン酸化及びインスリン受容体との結合：部分精製したインスリン受容体をインスリンで4℃、16時間刺激した後、[γ-³²P] ATP存在下に、GST-SH2 蛋白と4℃、3時間孵値し、抗インスリン受容体抗体及び抗 GST-SH2 抗体

にて免疫沈降後、SDS-PAGEにて解析した。

(4) SH2 蛋白の IRS-1との結合：GST-IRS-1 (N及びC) 融合蛋白をインスリン受容体にて [γ - 32 P] ATP存在下にリン酸化し、GSTを切断したSH2蛋白と孵置し、抗 GST-IRS-1 抗体にて免疫沈降後、SDS-PAGEにて解析した。

〔結 果〕

(1) GST-SH2 蛋白のインスリン受容体キナーゼによるリン酸化及びインスリン受容体との結合：GST-SH2 蛋白は、インスリン受容体によりリン酸化された。このリン酸化は変異受容体においても認められた。また、抗GST抗体にてインスリン受容体は GST-SH2 蛋白と共に免疫沈降された。しかし、この共沈は、トリプシンでC末端を切断したインスリン受容体や Y/F2 受容体では認められなかった。

(2) SH2 蛋白の IRS-1 との結合：factor-Xa によりGSTを切断して作成したSH2蛋白も抗GSTにより、GST-IRS-1 と共に免疫沈降されたが、GST-IRS-1-N とは免疫沈降されなかった。

〔考 察〕

SHPTP2 はインスリン受容体によりリン酸化され、受容体キナーゼの基質となりうることが示された。また、インスリン刺激によりインスリン受容体及び IRS-1 と結合することが確認された。インスリン受容体との結合部位はC末端欠損及び Y/F2 受容体を用いた検討よりC末端の YTXM モチーフと考えられた。Y/F2 受容体は、糖代謝促進よりも増殖刺激を伝達しやすく、IGF-1 受容体に相似することが報告されており、この PTPase が Y/F2 受容体のC末端に結合しないことが、この Y/F2 受容体でのシグナル伝達の相違に関している可能性が示唆された。SHPTP2 のSH2 領域の認識するリン酸化チロシンモチーフは、ペプチドを用いた結合実験の検討では、Y (I/V) X (V/I/L/P) と報告されており、SHPTP2 の IRS-1 との結合部位は、GST-IRS-1-C に含まれている Y¹¹⁷IDL と考えられた。

〔結 論〕

SHPTP2 はインスリン刺激により、インスリン受容体キナーゼによりリン酸化され、同時にインスリン受容体及び IRS-1 と結合した。以上より、SHPTP2 がインスリンシグナル伝達の調節に関与し、その機能異常がインスリン抵抗性発症に関わる可能性が示唆された。

論文審査の結果の要旨

Src homology 2 (SH2) 領域を有する蛋白質は特定のホスホチロシンモチーフを認識して結合し、チロシンリン酸化を介するシグナル伝達において重要な役割を果たしている。インスリンシグナル伝達においても、SH2領域を有する phosphatidylinositol 3-kinase がインスリン受容体の内因性基質である insulin receptor substrate-1 (IRS-1) に結合することより活性化され、糖の取り込みを促進することが知られている。一方、Src homology 2-protein tyrosine phosphatase 2 (SH-PTP2) 及び protein tyrosine phosphatase 1C (PTP1C) は SH2 領域を有する protein tyrosine phosphatase (PTPase) であり、インスリンシグナル伝達への関与が推定される。本論文はこれら二つの PTPase のインスリンシグナル伝達への関与の有無を明確にする目的で、これらの PTPase とインスリン受容体及び IRS-1 との相互作用を glutathione-S-transferase 融合蛋白を用いて検討したものである。

本論文では、

- 1) SH-PTP2 の SH2 領域はインスリン刺激によりインスリン受容体及び IRS-1 の carboxyl terminus に結合すること
- 2) SH-PTP2 の SH2 領域はインスリン受容体キナーゼよりリン酸化されること
- 3) PTP1C の SH2 領域はインスリン受容体及び IRS-1 と結合せず、またリン酸化も受けないこと

を確認した。以上の結果より、SH-PTP2 はPTP1C とは異なり、インスリンシグナル伝達に関与している可能性が示唆された。PTPase のインスリンシグナル伝達機構における役割に関しては現在も不明な点が多く、本論文はインスリンシグナル伝達機構を解明するうえで重要な意味を持つと考えられ、博士（医学）の学位論文として価値あるものと認める。